

## Protein Alignment Summary Table (Rev)

Name	Accession No.	Region	First Author	Reference
AGMTYO	X07805	complete genome	Fukasawa, M.	Nature 333, 457-461 (1988)
AGM155	M29975	complete genome	Johnson, P.R.	J. Virol. 64, 1086-92 (1990)
AGM3	M30931	complete genome	Baier, M.	Virology 176, 216-221 (1990)
SIVREV	L40990	complete genome	Hirsch, V.M.	J. Virol. 69, 955-967 (1995)
AGM677	M66437	complete genome	Fomsgaard, A.	Virology 182, 397-402 (1991)
SABIC	U04005	complete genome	Jin, M.J.	EMBO J. 13, 2935-2947 (1994)
U20966	U20966	rev	Jubier-Maurin, V.	J. Virol. 69, 7349-7353 (1995)
U20968	U20968	rev	Jubier-Maurin, V.	J. Virol. 69, 7349-7353 (1995)
SYK	L06042	complete genome	Hirsch, V.M.	J. Virol. 67, 1517-28 (1993)
TANI	U58991	complete genome	Soares, M.A.	Virology 228, 394-399 (1997)

AGM REV

VERVET .CON MP .IGPEE .Rrllrliafl?rcmpyp?vegtarqrrrrrrwrcq?o?ralaerliw?r?rge?o?lvai .Dql?ld?o?hla . . . . . QdL . . . . . PDPpss?\$ 80  
 AGMTYO . . . . . -FV--WL-YS-----SG-----Q-D-I-V-V-L . . . . . -Y-V-R-ADDA-----H-A 84  
 AGM155 . . . . . -Y-S-----S . . . . . KN-K-I-Y-----GT-D-----V-T-----QA 89  
 AGM3 . . . . . -S-----NKN-----A-E-L-----HS-V-E-----V-Q-----S 89  
 SIVREV . . . . . -KVS--Y-N-----E-R-L-F-----NETK-R-E-TL . . . . . A-V-----H . . . . . N-S- 89

GRIYET .CON -S--K-- . . . . . KOA-KI-KT-YGS-----Q .FS-----Q--KO-Q-IDKI-G-VLNTFPDQ--AQL .QE-Q-ENKD-VL . . . . . H . . . . . HIH 89  
 AGM677 -S--K-- . . . . . KOA-KI-KT-YGS-----Q .FS-----Q--KO-Q-IDKI-G-VLNTFPDQ--AQL .QE-Q-ENKD-VL . . . . . H . . . . . HIH 89

SABAENS .CON -S--?--?L--F--I-KY-YT-----GQ-----Q-AKORQ-IIH-----L . . . . . qTp-SQ--?--AQEFDQ-VLADNL--P . . . . . -Pl-P .GHPses???SS?\$ 91  
 SABL C -S--Q--LL--F--I-K--YT-----GQ-----Q-AKORQ-VIH-----L . . . . . fTP-SQ--H-AQEFDQ-VLADNL--P . . . . . -SL-P .GHPTEHQANSS\$ 99  
 U20966 -S--K--EL--F--I-KY-YT-----GQ-----Q-AKORQ-IIH-----L . . . . . qTP-SQ--N-AQELDQ-VLADNL--P . . . . . -Pl-P .GHPSESKNLESSA\$ 99  
 U20968 -S--DIL--F--I-KY-YT-----GQ-----Q-AHQORQ-IIH-----C . . . . . qTS-SQ--S-AQEFDQ-VLADNL--P . . . . . -PEDQ .AVQSS\$ 92

SYKES .CON --DQ-S-QL .AVF--M--H . . . . . QE--G .P--PRQT--R--Q-----RT-RLY-QQ--F .EALFGSRTA-LE-S . . . . . QISD 77  
 SYK --DQ-S-QL .AVF--M--H . . . . . QE--G .P--PRQT--R--Q-----RT-RLY-QQ--F .EALFGSRTA-LE-S . . . . . QISD 77

TANTALUS .CON -S--S-DL .--IIQI-RI-YHS-Q-----G-----R-Q-FQ-Q-R-VA--S--FTAQ-RDPSGGE .S-AAAFDQ-VLDN .--VIEFTL-----QEPHDSSTA\$ 103  
 TANI -S--S-DL .--IIQI-RI-YHS-Q-----G-----R-Q-FQ-Q-R-VA--S--FTAQ-RDPSGGE .S-AAAFDQ-VLDN .--VIEFTL-----QEPHDSSTA\$ 103