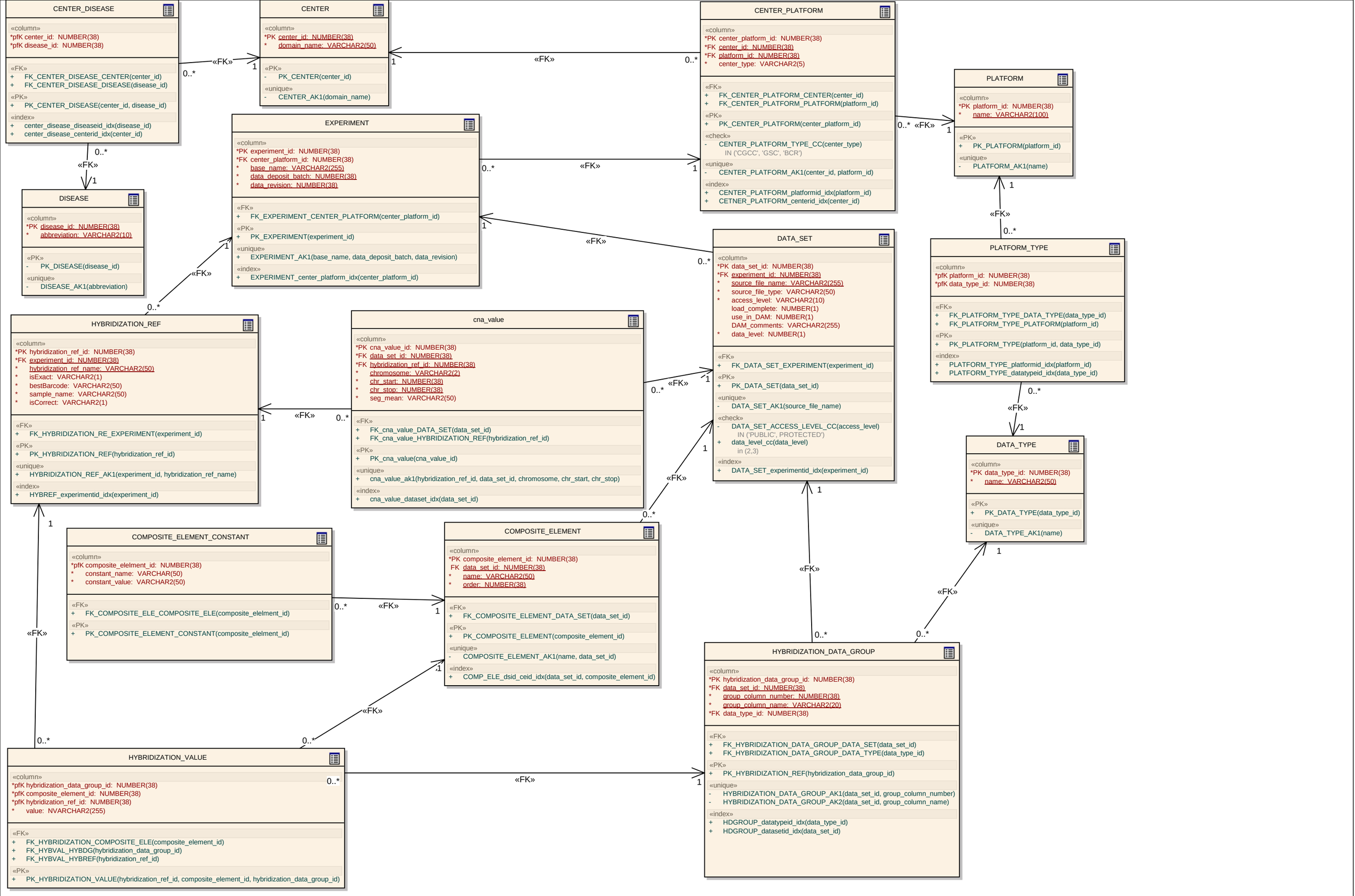
CENTER_DISEASE
«column»
*pfK center_id: NUMBER(38)
*pfK disease_id: NUMBER(38)
«FK»
+ FK_CENTER_DISEASE_CENTER(center_id)
+ FK_CENTER_DISEASE_DISEASE(disease_id)
«PK»
+ PK_CENTER_DISEASE(center_id, disease_id)
«index»
+ center_disease_diseaseid_idx(disease_id)
+ center_disease_centerid_idx(center_id)
CENTER
«column»
*PK center_id: NUMBER(38)
* domain_name: VARCHAR2(50)
«PK»
- PK_CENTER(center_id)
«unique»
- CENTER_AK1(domain_name)
CENTER_PLATFORM
«column»
*PK center_platform_id: NUMBER(38)
*FK center_id: NUMBER(38)
*FK platform_id: NUMBER(38)
* center_type: VARCHAR2(5)
«FK»
+ FK_CENTER_PLATFORM_CENTER(center_id)
+ FK_CENTER_PLATFORM_PLATFORM(platform_id)
«PK»
+ PK_CENTER_PLATFORM(center_platform_id)
«check»
- CENTER_PLATFORM_TYPE_CC(center_type)
IN ('CGCC', 'GSC', 'BCR')
«unique»
- CENTER_PLATFORM_AK1(center_id, platform_id)
«index»
+ CENTER_PLATFORM_platformid_idx(platform_id)
+ CETNER_PLATFORM_centerid_idx(center_id)
PLATFORM
«column»
*PK platform_id: NUMBER(38)
* name: VARCHAR2(100)
«PK»
+ PK_PLATFORM(platform_id)
«unique»
- PLATFORM_AK1(name)
DISEASE
«column»
*PK disease_id: NUMBER(38)
* abbreviation: VARCHAR2(10)
«PK»
- PK_DISEASE(disease_id)
«unique»
- DISEASE_AK1(abbreviation)
EXPERIMENT
«column»
*PK experiment_id: NUMBER(38)
*FK center_platform_id: NUMBER(38)
* base_name: VARCHAR2(255)
* data_deposit_batch: NUMBER(38)
* data_revision: NUMBER(38)
«FK»
+ FK_EXPERIMENT_CENTER_PLATFORM(center_platform_id)
«PK»
+ PK_EXPERIMENT(experiment_id)
«unique»
+ EXPERIMENT_AK1(base_name, data_deposit_batch, data_revision)
«index»
+ EXPERIMENT_center_platform_idx(center_platform_id)
DATA_SET
«column»
*PK data_set_id: NUMBER(38)
*FK experiment_id: NUMBER(38)
* source_file_name: VARCHAR2(255)
* source_file_type: VARCHAR2(50)
* access_level: VARCHAR2(10)
load_complete: NUMBER(1)
use_in_DAM: NUMBER(1)
DAM_comments: VARCHAR2(255)
* data_level: NUMBER(1)
«FK»
+ FK_DATA_SET_EXPERIMENT(experiment_id)
«PK»
+ PK_DATA_SET(data_set_id)
«unique»
- DATA_SET_AK1(source_file_name)
«check»
- DATA_SET_ACCESS_LEVEL_CC(access_level)
IN ('PUBLIC', PROTECTED')
+ data_level_cc(data_level)
in (2,3)
«index»
+ DATA_SET_experimentid_idx(experiment_id)
PLATFORM_TYPE
«column»
*pfK platform_id: NUMBER(38)
*pfK data_type_id: NUMBER(38)
«FK»
+ FK_PLATFORM_TYPE_DATA_TYPE(data_type_id)
+ FK_PLATFORM_TYPE_PLATFORM(platform_id)
«PK»
+ PK_PLATFORM_TYPE(platform_id, data_type_id)
«index»
+ PLATFORM_TYPE_platformid_idx(platform_id)
+ PLATFORM_TYPE_datatypeid_idx(data_type_id)
DATA_TYPE
«column»
*PK data_type_id: NUMBER(38)
* name: VARCHAR2(50)
«PK»
+ PK_DATA_TYPE(data_type_id)
«unique»
- DATA_TYPE_AK1(name)
HYBRIDIZATION_REF
«column»
*PK hybridization_ref_id: NUMBER(38)
*FK experiment_id: NUMBER(38)
* hybridization_ref_name: VARCHAR2(50)
* isExact: VARCHAR2(1)
* bestBarcode: VARCHAR2(50)
* sample_name: VARCHAR2(50)
* isCorrect: VARCHAR2(1)
«FK»
+ FK_HYBRIDIZATION_RE_EXPERIMENT(experiment_id)
«PK»
+ PK_HYBRIDIZATION_REF(hybridization_ref_id)
«unique»
+ HYBRIDIZATION_REF_AK1(experiment_id, hybridization_ref_name)
«index»
+ HYBREF_experimentid_idx(experiment_id)
cna_value
«column»
*PK cna_value_id: NUMBER(38)
*FK data_set_id: NUMBER(38)
*FK hybridization_ref_id: NUMBER(38)
* chromosome: VARCHAR2(2)
* chr_start: NUMBER(38)
* chr_stop: NUMBER(38)
* seg_mean: VARCHAR2(50)
«FK»
+ FK_cna_value_DATA_SET(data_set_id)
+ FK_cna_value_HYBRIDIZATION_REF(hybridization_ref_id)
«PK»
+ PK_cna_value(cna_value_id)
«unique»
+ cna_value_ak1(hybridization_ref_id, data_set_id, chromosome, chr_start, chr_stop)
«index»
+ cna_value_dataset_idx(data_set_id)
COMPOSITE_ELEMENT_CONSTANT
«column»
*pfK composite_elelment_id: NUMBER(38)
* constant_name: VARCHAR(50)
* constant_value: VARCHAR2(50)
«FK»
+ FK_COMPOSITE_ELE_COMPOSITE_ELE(composite_elelment_id)
«PK»
+ PK_COMPOSITE_ELEMENT_CONSTANT(composite_elelment_id)
COMPOSITE_ELEMENT
«column»
*PK composite_element_id: NUMBER(38)
FK data_set_id: NUMBER(38)
* name: VARCHAR2(50)
* order: NUMBER(38)
«FK»
+ FK_COMPOSITE_ELEMENT_DATA_SET(data_set_id)
«PK»
+ PK_COMPOSITE_ELEMENT(composite_element_id)
«unique»
- COMPOSITE_ELEMENT_AK1(name, data_set_id)
«index»
+ COMP_ELE_dsid_ceid_idx(data_set_id, composite_element_id)
HYBRIDIZATION_DATA_GROUP
«column»
*PK hybridization_data_group_id: NUMBER(38)
*FK data_set_id: NUMBER(38)
* group_column_number: NUMBER(38)
* group_column_name: VARCHAR2(20)
*FK data_type_id: NUMBER(38)
«FK»
+ FK_HYBRIDIZATION_DATA_GROUP_DATA_SET(data_set_id)
+ FK_HYBRIDIZATION_DATA_GROUP_DATA_TYPE(data_type_id)
«PK»
+ PK_HYBRIDIZATION_REF(hybridization_data_group_id)
«unique»
- HYBRIDIZATION_DATA_GROUP_AK1(data_set_id, group_column_number)
- HYBRIDIZATION_DATA_GROUP_AK2(data_set_id, group_column_name)
«index»
+ HDGROUP_datatypeid_idx(data_type_id)
+ HDGROUP_datasetid_idx(data_set_id)
HYBRIDIZATION_VALUE
«column»
*pfK hybridization_data_group_id: NUMBER(38)
*pfK composite_element_id: NUMBER(38)
*pfK hybridization_ref_id: NUMBER(38)
* value: NVARCHAR2(255)
«FK»
+ FK_HYBRIDIZATION_COMPOSITE_ELE(composite_element_id)
+ FK_HYBVAL_HYBDG(hybridization_data_group_id)
+ FK_HYBVAL_HYBREF(hybridization_ref_id)
«PK»
+ PK_HYBRIDIZATION_VALUE(hybridization_ref_id, composite_element_id, hybridization_data_group_id)
«FK»
0..*
1