

Seedling reaction of entries of the 2002-2003 Uniform Southern Soft Red Winter Wheat Performance Nursery to selected isolates of *Puccinia triticina* (D.L. Long, USDA-ARS, Cereal Disease Laboratory, 1551 Lindig Street, St. Paul, MN 55108)

No.	Cultivar or Line	Reactions produced by NA race* **							Postulated genes***	
		MBDS**	PMML	LBBK	KDGJ	CBGJ	TNRJ	TLGJ		SCJD
1	Coker 9663	;	;	;	;	;	3-;	3	;	2a, 9, 10, 11
2	AGS 2000	;lc	;lc	;lc	;	;	;	;	3	11,26,+
3	USG 3209	;	;	;lc	;	;	;	; -3	3	11,26,+
4	Pioneer 26R61	;	;lc	;lc	;	;	;	;	;lc	+
5	SC 960057	;	;	;lc	;lc2	;	3-;	3-;	3	11,26,+
6	G/F 931241E16	;	;	;	;	;	;lc	;	;	+
7	G/F 93052E42	0;	;lc	;	;	;	;	;	;	+
8	F/G 931470E62	;	; -3	;	;	;	3	3	;	9,+
9	F/G 931233E17	;	;	3-;	;lc	;lc	;	;	;lc	+
10	AR 910-9-1	-	;	; -3	;2c	;	;	;	;	+
11	NC 98-26143	;	;	;	3	;	; -3	;	;	24,+
12	NC 99-13022	;	;	;	3	;	3	;	;	24
13	NC 98-24182	;	;	;	;	;	3	3	;	9,11,+
14	VA 00W-526	;	;	; -3	3	3-;	3	; -3	3	11,+
15	VA98W-335	;	;	;	;	;	;	;	;	+
16	VAN98W-342	;	;l	;	;	;	-	;	;	+
17	VA98W-631	3	;lc	;	;lc	;lc	;	;lc	;	10,17,+
18	9330D11-1	;	;	;	;	;	;	;	;	+
19	9560CA22-1	;	;	;	;	;	;	;	;	+
20	AW D99-5261	3	;	3;	;l2	;	;l	;	3	17,+
21	AW L96*9266-1	;	;	;	;	;	;	;	;	+
22	AW D99*5725	;l	;lc	;	3	3	;	;2	;	11,+
23	AW M96*3978-4	;lc	;	;lc	;	;	;	;lc2	3	11,26,+
24	AR 93035-4-1	;2c	3	;	; -3	;lc2	3	3,lc	;	9,+
25	G/F 94261E7	;	;	;	3-;	;	3-;	;	;	+
26	G 96195	3	-	3	;	;	;	3	3	+
27	G 96226	3	-	3	;	3	;	3	3	10,+
28	G 19844	;	;	;	3-;	;	3	; -3	3	+
29	F/G 931630E48	;	;	;	;	;	;lc	;	;	+
30	MO 002001	;	;lc	;	;	;	;	;lc	;	+
31	SC 980890	;	;	;	;	;	;	;	;	+
32	B980582	;	;	;	;	;	3	;	;lc	9, 24,+
33	B980696	3;	;lc	;	;lc	3-;	;lc	;	;	+
34	B980954	;	;	;	;	;	;	;	;	+
35	B980416	;lc3	;	;	;	;	;	;	;	+
36	MD 71-5	;	;	;	;	;	;	;	;	+
37	TX 00D1626	;	;	;	;lc	;	;lc	;	3	11,26,+

\* Single genes tested: = 1,2a,2c,3,3Ka,9,10,11,14a,16,17,18,24,26,30,B

\*\*Virulence Formula:

MBDS=1,3,10,14a,17,B

CBGJ=3,10,11,14a

PMML=1,2c,3,3Ka,9,26,30,B

TNRJ=1,2a,2c,3,3Ka,9,10,11,14a,24,30

LBBK=1,10,14a,18

TLGJ=1,2a,2c,3, 9,10,11,14a

KDGJ=2a,2c,3,10,11,14a,24

SCJD=1,2a,2c,11,14a,17,26

\*\*\* += Lr gene(s) present but unable to identify with these Lr virulence combinations