

## Protein Alignment Summary Table (Pol)

Name	Accession No.	Region	First Author	Reference
AGMTYO	X07805	complete genome	Fukasawa, M.	Nature 333, 457-461 (1988)
AGM3	M30931	complete genome	Baier, M.	Virology 176, 216-221 (1990)
AGM155	M29975	complete genome	Johnson, P.R.	J. Virology 64, 1086-92 (1990)
SIVREV	L40990	complete genome	Hirsch, V.M.	J. Virology 69, 955-967 (1995)
AGM677	M66437	complete genome	Fomsgaard, A.	Virology 182, 397-402 (1991)
AGMT9	L19254	gag, pol	Hirsch, V.M.	Virology 197, 426-430 (1993)
AGMT17	L19250	gag, pol	Hirsch, V.M.	Virology 197, 426-430 (1993)
AGMT27	L19251	gag, pol	Hirsch, V.M.	Virology 197, 426-430 (1993)
AGMT40	L19252	gag, pol	Hirsch, V.M.	Virology 197, 426-430 (1993)
AGMT49	L19253	gag, pol	Hirsch, V.M.	Virology 197, 426-430 (1993)
TANI	U58991	complete genome	Soares, M.A.	Virology 228, 394-399 (1997)
SABIC	U04005	complete genome	Jin, M.J.	EMBO J. 13, 2935-2947 (1994)
SABD37P	U04018	pol	Jin, M.J.	EMBO J. 13, 2935-2947 (1994)
AGM266	M22974	pol	Li, Y.	J. Virology 63, 1800-2 (1989)
AGM385	M21311	complete genome	Daniel, M.D.	J. Virology 62, 4123-4128 (1988)
AGM381	M73537	complete genome	Allan, J.S.	J. Virology 65, 2816-2828 (1991)
SYK	L06042	complete genome	Hirsch, V.M.	J. Virology 67, 1517-28 (1993)

AGM POL

VERVET .CON 80
AGM3 64
AGMTYO 80
AGM155 59
SIVREV 56

GRIVET .CON 60
AGM677 60

TANTALUS .CON 102
AGMT9 117
AGMT17 117
AGMT27 56
AGMT40 88
AGMT49 75
TANI 52

SABAUS .CON 61
SABIC 61

SYKES .CON 51
SYK 51

VERVET .CON 200
AGM3 184
AGMTYO 200
AGM155 179
SIVREV 176

GRIVET .CON 182
AGM677 182

TANTALUS .CON 211
AGMT9 149
AGMT17 82
AGMT27 121
AGMT40 107
AGMT49 84
TANI 211

SABAUS .CON 171
SABIC 177
SABD37P 59

SYKES .CON 178
SYK 178

VERVET .CON XXXAGAXLXMGQLSEKIPITPVKXEFGXGPXLKQWPLSKKIKALKEICKOLEKEGKISXGGENA YNTPXFxIxXXDKSXWxMxVxxxxKXATQXPFEXQlxIxXPAGLxKXMXxITxLxDGDAYYSI 330  
LAP---K-V------Q-----Lk--R--F-----E-----Q--D-----Kt-----V-C-KKK--Q-R-L-DPR-LN-----D--V-G-PH-S-FEK-TE-V--I- 314  
AGM3 AGMTYO LAP-VPR-V-----K-V--Lk--R-CVR-----E-E-Q-S-Q--RV-----I-C-RKK--Q-R-L-DPR-LN-----D--V-G-PH--RK-RQ-V--V- 330  
AGM1 55 LAQ---K-V-----QT-----RLK--R-R-----E-I-Q-KT-E--L-RV-D-----V-C-RKK--Q-R-L-DPR-LN-----D--V-G-PH--KK-RQ--II-V- 309  
SIVREV LAP---R-V-----Q-----LKD--R--HI-----E-----T-----E-----Kt-----I-C-RKK--TQ-R-L-DPR-LN-V-D--V--G-PH-----QK-RQ-V--I- 306

GRIYET .CON LAQ--MK-V--V--SQ--EE--K-QLK--KD--K-----RE--E--T-----K-M-E--L-R-I-----P---V-A-KKK--TQ-R-L-DPR-LN-----D--V--G-PH-----QKKRQ--VI-I- 312  
AGM6 77 LAQ--MK-V--V--SQ--EE--K-QLK--KD--K-----RE--E--T-----K-M-E--L-R-I-----P---V-A-KKK--TQ-R-L-DPR-LN-----D--V--G-PH-----QKKRQ--VI-I- 312

TANTALUS .CON LAPL--R-I-----N-K-----K-QLKP--MS--K-----EE-----T--TQA-----KV-----P---V-C-RKK--TQ-R-LIDPRALN-----D--V--G-PH-----KRRKQ--V--I- 341  
TANI LAPL--R-I-----N-K-----K-QLKP--MS--K-----EE-----T--TQA-----KV-----P---V-C-RKK--TQ-R-LIDPRALN-----D--V--G-PH-----KRRKQ--V--I- 341

SABAUS .CON LAQL-VN-NL???.??-?PIK-?LKP-?D--R?R-----E--E--??-E?--?--HLERI-P--P--V-A-RKK--?Q-R?LMDPR?LN--?--D-Q-V--G-PH-----QOREQ--V--I?--F-C 282  
SAB1 C LAQL-VT-NLT-. .RE-EPik-HlkP-QD--RUR-----E--E--KA--ED--Q--HLERI-P--P--V-A-RKK--TQ-RILMDPRQLN-S--D-Q-V--G-PH-----QOREQ--V--I--F-C 305  
SABD 37P LAQL-VT-NLVA. .KT-LPIK-QLKP-KD--R-R-----E--E--RT--E-----HLERI-P--P--V-A-RKK--Q-R-LMDPR-LN-----D-Q-V--G-PH-----QOREQ--V--LA--F-C 187

SYKES .CON LTKL-VK-V-V-. .TALEPVK-SLKPDKEL-R-----VE-LE--KA-VEDML-A-OLEKASPT-P---V-V-RKK--KK-R-LIDPRKINE--D--V--G-PH-G--K-RQKL--II-LK-----V 305  
SYK LTKL-VK-V-V-. .TALEPVK-SLKPDKEL-R-----VE-LE--KA-VEDML-A-OLEKASPT-P---V-V-RKK--KK-R-LIDPRKINE--D--V--G-PH-G--K-RQKL--II-LK-----V 305

VERVET .CON PxDPEPRKXTAFTXPKXVNNKGPpGIXQfXxLxQGMxGXpXixXXTAAXIXXELIKxELIKpXtITVxYMDXxWVSQSEDEKxHxclVExxRkKlxXxwGLePxDKxYQkXpPYEMwGxKLxHKWxLxStELkE 460  
AGM3 -L-----Y-----I-S--Q--TR--NC-P--K-S-T-FQN--S-LE--K--L--Q--DL-----YT--DR--QL--M--SA--T--K--K-----P--QIS--ED 444  
AGMTYO -L--N--Y--I--T--Q--R--NC-P--K-S-T-FQN--S-LE--RN--PAL--Q--DL-----N--HT--DK--QL--T--QA--T--EK--M--E-----P--E--SR--Q--E- 460  
AGM1 55 -L-----Y-----I--T--E--R--NC-P--K-S-T-FQN--SK-LE--K--QL--Q--DL-----BGPk--DQ--QTL--NR--QE--T--EK--RE--F-----P--K--Q--EK 439  
SIVREV -L-----Y-----I-S--Q--VR--NC-P--K-S-T-FQN--K-LEK--E--L--Q--DL-----YT--DK--QL--V--KT--T--K--K-----PQ--Q--N--E- 436

GRIYET .CON -LCK-----Y-----I-S--T--R--NC-P--K-S-T-FQN--N-LE--RHHPGLE--Q--DL--LA--DH--TR--NOQ--DIV--KM--LEK--T--K--RE--W-----HPN--TINK--PP 442  
AGM6 77 -LCK-----Y-----I-S--T--R--NC-P--K-S-T-FQN--N-LE--RHHPGLE--Q--DL--LA--DH--TR--NOQ--DIV--KM--LEK--T--K--RE--W-----HPN--TINK--PP 442

TANTALUS .CON -L-----PY-----I-Q--V--R--NC-P--K-S-T-FQH--QRVlK--GKKVQDLE-IQ--DM--I--DLP--KE--DEK--EV--KL--LLR--F--T--K--R--D-----YPSH--S--NK--IP- 471  
TANI -L-----PY-----I-Q--V--R--NC-P--K-S-T-FQH--QRVlK--GKKVQDLE-IQ--DM--I--DLP--KE--DEK--EV--KL--LLR--F--T--K--R--D-----YPSH--S--NK--IP- 471

SABAUS .CON -L-?D-Q-Y-----I-S--?E--?R?-YKV-P---K-S-T-FQF--NK-LQ--PROKNPDVD--YQ--DWLlA--DRPKAE--LVM--QOL--DY--ET--FKT--EK--F--D--L-----E--YPK--Q--QE--T--P- 408  
SAB1 C -L-D-Q-Y-----I-S--RE--R--YKV-P---K-S-T-FQF--NK-LQ--FRQKNPDVD--YQ--DWLlA--DRPKAE--LVM--QOL--DY--ET--FKT--EK--F--D--L-----E--YPK--Q--QE--T--P- 435  
SABD 37P -L-ED-Q-Y-----I-S--KE--MRF--YKV -L-D-Q-Y-----I-S--RE--R--YKV-P---K-S-T-FQF--NK-LQ--FRQKNPDVD--YQ--DWLlA--DRPKAE--LVM--QOL--DY--ET--FKT--EK--F--D--L-----E--YPK--Q--QE--T--P- 217

SYKES .CON -L-K--PY-----V-SI--AS--ER--TV-P---K-S-T-FOS--INQ--LQPRKXYSUL--LIQ--DLlI--TDRS--KA--QEI--QQIVTA--LKV--FKV--KE--W--DOY--Mq--L--T--HPD--Q--QK--FN 435  
SYK -L-K--PY-----V-SI--AS--ER--TV-P---K-S-T-FOS--INQ--LQPRKXYSUL--LIQ--DLlI--TDRS--KA--QEI--QQIVTA--LKV--FKV--KE--W--DOY--Mq--L--T--HPD--Q--QK--FN 435

AGM POL

```

VERVET. CON
AGM3   .KEXWTXNDI.XKXV.GKXNMWAXXXX.PGXRRTKXIKKKLKRKGNKXLEVWTXEAEAXVAENKEXXXKTE.XEGKXXXXPGKXXXAAVOKLE.XGQWMS.YQFXXX. .GXKXKVGXYYX. .XXXNXHXNKXXXXAGH.V
AGM150 .-E-V-.-QRL-L-.-QLY-L-.-NLG-I-.-L-T-T-.-E-.-L-.-Q-T-YK-RPLR-.-G-.-.KQ-.-.QVL-.-K-TK-.-.QK-T-T-ELRVL-.-
AGM155 .-DE-V-.-Q-L-.-L-.-QLY-LK-R-.-C-ITG-.-L-L-A-P-.-E-.-A-LL-.-Q-T-YK-IPIR-.-G-.-.KQ-.-.QVL-.-K-TK-.-.QK-T-T-ELRVL-.-
SIVREV .-Q-V-LQ-L-.-L-.-OLY-L-.-N-C-L-.-L-D-E-P-.-E-.-LL-.-Q-T-YA-PLR-.-G-.-.KQ-.-.KLL-.-KPAK-.-.OKAT-T-ELRVL-V-
.-.Q-V-.-Q-L-.-L-.-QLY-L-.-Q-CR-I-.-L-E-Q-.-E-.-E-.-LL-.-Q-T-YA-PLR-.-G-.-.KQ-.-.KLL-.-KPAK-.-.QK-T-T-ELRVL-.-
GRIVET. CON
AGM677 LEGE--V-K-Q-V-.-VL-.-SQIY--IK-HTGAML-.-L-.-EIV-E-.-E-KN-QGIVQETO-T-YD-L-ELL-T-.-QGE-.-T-.-.TQ-.-AVL-.-R-AK-.-.QRETT-T-DLRTL-H-
LEGE--V-K-Q-V-.-VL-.-SQIY--IK-HTGAML-.-L-.-EIV-E-.-E-KN-QGIVQETO-T-YD-L-ELL-T-.-QGE-.-T-.-.TQ-.-AVL-.-R-AK-.-.QRETT-T-DLRTL-H-
TANTALUS. CON
TANI   .Q-H-V-.-Q-L-.-VL-.-SOLY--IK-ALC-L-.-AODILTA-Q-.-EQ-VEPRQ-Q-LL-E-QQ-A-YD-S-SLR-TTT-DD-.-G-.-.KQ-.-.KVL-T-K-TK-.-.SK-T-T-ERRVL-M-
.Q-H-V-.-Q-L-.-VL-.-SOLY--IK-ALC-L-.-AODILTA-Q-.-EQ-VEPRQ-Q-LL-E-QQ-A-YD-S-SLR-TTT-DD-.-G-.-.KQ-.-.KVL-T-K-TK-.-.SK-T-T-ERRVL-M-
SABAENS. CON
SABL1C .R-E-V-.-Q-L-.-L-.-SQIYT-.-IK-HLGR-I-.-ARPLT-I-Q-.-E-LELE-.-RQILRQKQ-Q-YD-ALPLR-K-L-GD-.-G-.-IYQPE.NKIL-.-K-AK-.-.IKTA-T-ELRML-
.R-E-V-.-Q-L-.-L-.-SQIYT-.-IK-HLGR-I-.-ARPLT-I-Q-.-E-LELE-.-RQILRQKQ-Q-YD-ALPLR-K-L-GD-.-G-.-IYQPE.NKIL-.-K-AK-.-.IKTA-T-ELRML-
SYKES. CON
SYK     IDDEI-V-OLQ-LL-VL-.-SQIYS-.-IK-ELC-CI-.-T-QLT-.-LTL-.-EA-.-ELE-.-RQIL-.-E-QA-S-YD-K-PLR-HIT-.-GSQ-.-G-MIKO-QK-PPLIT-KTAK-.-.TRAA-S-DYQSL-Q-L
IDDEI-V-OLQ-LL-VL-.-SQIYS-.-IK-ELC-CI-.-T-QLT-.-LTL-.-EA-.-ELE-.-RQIL-.-E-QA-S-YD-K-PLR-HIT-.-GSQ-.-G-MIKO-QK-PPLIT-KTAK-.-.TRAA-S-DYQSL-Q-L
SYK
VERVET. CON
AGM3   XKLCKXALVIMGELPXXELPXXREVMEQWAXVWVXWIPWEFVSXXXVKKXTLTXBPIPXEDVYYVDGACNRRNKEGKAGYITQYGVKXREKLENKXTXQQAEXXAKIMMALXDSGXPVNIITDSOYA
AGM150 Q-L-.-ES-.-.-VL-.-IE-.-.-D-Q-S-.-D-.-T-PL-L-Y-.-K-.-K-.-.-.-.-T-N-.-.-L-.-
AGM155 Q-.-E-.-I-VL-.-IE-.-.-D-Q-S-.-D-.-T-PL-L-Y-.-K-.-K-.-.-.-.-T-N-.-.-L-.-
SIVREV Q-G-E-.-Q-.-TF-.-VE-DT-.-D-Q-S-.-D-.-V-PL-TL-Y-.-K-.-K-.-.-.-.-Q-.-Q-.-QO-.-T-N-.-.-LT-.-
Q-.-E-.-I-F-.-VE-.-.-D-Q-S-.-.-.-V-PL-L-Y-.-K-.-K-.-.-.-.-Q-.-Q-.-QO-.-T-N-.-.-LV-.-E-.-EK-.-
GRIVET. CON
AGM677 Q-.-E-.-T-.-R-.-RVQ-.-VDKKT-.-DM-.-QD-.-Q-S-.-.-.-T-LL-.-L-.-YS-VK-.-.-KG-.-.-.-ASKVT-L-.-.-LSE-.-S-.-I-RE-.-T-N-.-.-LT-V-.-E-.-EN-.-
Q-.-E-.-T-.-R-.-RVQ-.-VDKKT-.-DM-.-QD-.-Q-S-.-.-.-T-LL-.-L-.-YS-VK-.-.-KG-.-.-.-ASKVT-L-.-.-LSE-.-S-.-I-RE-.-T-N-.-.-LT-V-.-E-.-EN-.-
TANTALUS. CON
TANI   QRV-.-E-ITP-.-K-IM-V-VE-.-.-SD-.-Q-T-L-.-I-.-I-.-T-PLI-L-.-YN-VKD-.-KAK-.-C-.-.-.-.-FL-.-NT-.-ESQ-.-IE-.-DT-N-.-.-LQ-VLL-.-KH-KSK-.-.-V
QRV-.-E-ITP-.-K-IM-V-VE-.-.-SD-.-Q-T-L-.-I-.-I-.-T-PLI-L-.-YN-VKD-.-KAK-.-C-.-.-.-.-FL-.-NT-.-ESQ-.-IE-.-DT-N-.-.-LQ-VLL-.-KH-KSK-.-.-V
SABAENS. CON
SABL1C Q-G-ER??-.-??-.-VE-.-?-.-.-?D-Q-S-.-.-?-.-.-t-pl??PL-Y-.-K-.-g-.-.-.-.-.-.-?--Q-.-.-T-N-.-.-Lp-.-??-.-?-.-??-.-
AGM266 Q-G-ESI-.-QI-IM-.-VE-.-L-.-.-SD-Q-T-.-.-M-.-T-OLIRL-YK-VKD-.-G-A-.-.-.-A-.-.-.-L-DR-DQK-VA-.-T-N-K-LE-LL-.-R-.-SK-.-I-.-
AGM385 -E-.-.-.-.-TL-.-VE-.-.-.-D-Q-S-.-.-D-.-T-PWL-L-Y-.-K-.-LAK-.-.-.-.-R-.-.-.-.-.-.-Q-.-.-.-.-.-.-T-N-.-.-
SYKES. CON
SYK     N-GIOS-WY-.-KV-TPH-.-VK-.-E-.-K-.-TD-.-QAT-V-.-VK-I-.-T-PL-RWYN-VP-.-.-EAVTF-.-.-A-D-.-T-N-.-.-VASD-.-TQ-.-QY-.-QT-N-.-.-LEGLL-.-.-Q-KDK-.-.-V-.-S
N-GIOS-WY-.-KV-TPH-.-VK-.-E-.-K-.-TD-.-QAT-V-.-VK-I-.-T-PL-RWYN-VP-.-.-EAVTF-.-.-A-D-.-T-N-.-.-VASD-.-TQ-.-QY-.-QT-N-.-.-LEGLL-.-.-Q-KDK-.-.-V-.-S

```

VERVET .CON MGILTA\*PTXSD\*PLVEQIITAXMVKOXI\*xxQWVxAKKGI\*xxNEXI\*KLIVSxGIRR&LxxxxxI\*EAAQEEHEXVYxXWxxxxADT\*xxx\*POIYAK\*IVxMCPKCOIKGEPxHxQVDPASPVWxMdxTHXEGKx  
 AGM3 -----Q-Q-S-I-----L-Q-HQ-YL--P-D--GG--E-D--Q-M-KI-FLBK-----R-N-RNL--YGL-----E-A-----G-Q--C-L--V  
 AGMTYO -----Q-Q-S-----L-IQ-Q-YL--P-H--GG--E-D--K-V-FLBK-----K-R-N-KNL--YGL-----E-A-----G-Q--C-L--K-V  
 AGM155 -----Q-Q-S-----Q-Q-EA-YL--P-H--GG--E-D--K-V-I-FGR-----DR-S-RNL--FGL-----E-A-----G-Q--C-L--I  
 STREV -----Q-Q-S-----L-K-RA-YL--P-H--GG--E-D--Q-----V-FGR-----DR-S-KNL--FGL-----E-A--NAK-----I-G-----G-Q--C-V--I  
 GRIVET .CON -N-----C-OE-NS-----QALMK-RQVYL--P-H--GG--TE-D--K--QI-FLDR-----DD-AK-N-RSMVQEPGL-N-----E-AA-----R-K-G-----IET-Q--C-L--V  
 AGM677 -N-----C-OE-NS-----QALMK-RQVYL--P-H--GG--TE-D--K--QI-FLDR-----DD-AK-N-RSMVQEPGL-N-----E-AA-----R-K-G-----IET-Q--C-L--V  
 TANTALUS .CON -----Q-Q-SV-N-----EE-IN-DA-YLT--P-H--GG--QE-D--Q--QV-FLDRM-----S-DK-T-QFTR-AFGI-AL--E-AA-----R-I-G-----VG-Q--C-L--I  
 TANI -----Q-Q-SV-N-----EE-IN-DA-YLT--P-H--GG--QE-D--Q--QV-FLDRM-----S-DK-T-QFTR-AFGI-AL--E-AA-----R-I-G-----VG-Q--C-L--I  
 SABAUS .CON -----IAGE--E--NNI-Q--EELIK-EAVVYA--P-H--VGG--E-D--Q--QV-FLDR-----DK-A-RSMQEPGL-A-----E-AA-----SV-G-----G-Q--C-L--I  
 SABL C -----IAGE--E--NNI-Q--EELIK-EAVVYA--P-H--VGG--E-D--Q--QV-FLDR-----DK-A-RSMQEPGL-A-----E-AA-----SV-G-----G-Q--C-L--I  
 SYKES .CON Y--MTC--NTEH-I-----QEAIK-EA-YVT--P-H--GG--AVD--K--KI-FLER-PQ--D--R--S-MEYLROEPHL-RQ--A-IOQ--NR--K-G--VDIYN-Q--C--B--V  
 SYK Y--MTC--NTEH-I-----QEAIK-EA-YVT--P-H--GG--AVD--K--KI-FLER-PQ--D--R--S-MEYLROEPHL-RQ--A-IOQ--NR--K-G--VDIYN-Q--C--B--V  
 VERVET .CON VIVxVHVASGFIEAEKIPRETKXTAXXXLKIKSRWPI\*TOX\*TXANGEN\*PTXQEVAAAMCMWGXIEHxTGVPYxPXSxGxIE\*XMNKOLKXIKLRDXCOY\*ETAVLMA\*CHxHNFRRKKGIGK\*TPAERLJN  
 AGM3 -----I-A-----V-----E-KFL--L-----LH-D-----S-----K--T--I--N-Q-Q-S-S-----E-G--D-----I  
 AGMTYO -----A-----V-----E-KFL--L-----LH-D-----S-----I--K--T--I--N-Q-Q-S-S-----E-G--D-----A-----II--  
 AGM155 -----A-----V-----E-KFL--IG-----HLH-D-----S-----KV--T--N--Q-Q-S-S-----E-G--D-----L--A-----  
 STREV -----A-----V-----R-E-KFL--L-----V-LH-D-----S-----I--K--T--N--Q-Q-SV-S-----E-G--D-----L-----  
 GRIVET .CON I--A-----V-----E-HFL--LLA--VKHLH-D-----S-N--V--N--T--I--N--Q-Q-SV-S--R--E-SQ--D-ERL--Q--T--I-----ISS--V-  
 AGM677 I--A-----V-----E-HFL--LLA--VKHLH-D-----S-N--V--N--T--I--N--Q-Q-SV-S--R--E-SQ--D-ERL--Q--T--I-----ISS--V-  
 TANTALUS .CON I--A-----L--V-A-----E-KFL--I-----KLH-D-----VS--QTI--QV--T--I--N--Q-Q-SV-S--R--ET--E--ED-AFL-----I-----M-----  
 TANI I--A-----L--V-A-----E-KFL--I-----KLH-D-----VS--QTI--QV--T--I--N--Q-Q-SV-S--R--ET--E--ED-AFL-----I-----M-----  
 SABAUS .CON I--A-----?--V--Q--A--HFL--LA-----KLH-D--T--S-Q--I--K--T?--N--Q-Q-VV-S-----E-GQ--DAERL--?--V--I-----YSA-----  
 SABL C I--A-----V--Q--A--HFL--LA-----LH-D--T--S-Q--I--K--TF--N--Q-Q-VV-S-----E-GQ--DAERL--I--V--I-----YSA-----  
 AGM381 x--V--Q--A--OFL--LA-----AKLH-D-----S-Q--I--K--TF--N--Q-Q-VV-S-----E-GQ--EDAERL-----x  
 SYKES .CON IC-A-NT--Y--TKILK--DE--LFLMO-A-----K-IH-D-----VSDKFK-A--CG--T--I--N--Q-Q-IV-SK-RY--EA-SQ--DVTHLQ--A--TFLL-----IS-G--Y--  
 SYK IC-A-NT--Y--TKILK--DE--LFLMO-A-----K-IH-D-----VSDKFK-A--CG--T--I--N--Q-Q-IV-SK-RY--EA-SQ--DVTHLQ--A--TFLL-----IS-G--Y--

AGM POL

VERVET . CON MTTQLEIOxxxQTFIQKILNFRVYYRREGDxVwGPAQLIMKGBGA , VVxxxEXEExxxVPRRRAKxIXDYEPKRKMGDEKXKEXGAXGXDNQMAXXSQILDD\$ 1074  
AGM3 -----L-HL-----P-K-G-----I-KGV-IAKEY-----I-K-----S-L-----G-A- 1046  
AGMTYO -H- -H- -P-K- -LKDGSDLKV-----I-K- -KQ-V-N-GDV--TR-S- 1061  
AGM1 55 -NTL-----L-K-G--LKV-----I-K-----TL--G-S-H--GD- 1047  
SIVREV -----L-TL-----P-K-----IK-G--LKI-----I-K-----G-M--LR-P-----RN----- 1049  
  
GRIVET . CON -L-----LNTL-NQ-----K-----P-K--R-----IK-G-DIKV-----I-K-GE--T-DS-GSM--VREANK--EGD-DLQ-QE 1057  
AGM6 77 -L-----LNTL-NQ-----K-----P-K--R-----IK-G-DIKV-----I-K-GE--T-DS-GSM--VREANK--EGD-DLQ-QE 1057  
  
TANTALUS . CON -----HI-QQ--S-K-----BP-K--T-L-----IK-G--LKV-----I-KE-GE--TV--KT-M-- 1067  
TANI -----HI-QQ--S-K-----BP-K--T-L-----IK-G--LKV-----I-KE-GE--TV--KT-M-- 1067  
  
SABAELUS . CON I-H-E--TKTL-Q--S--Q-----P-K--K-----IO-QG-LKTI-----I-K-G--ALDSQAPL--NGRTAGEVD 990  
SABIC I-H-E--TKTL-Q--S--Q-----P-K--K-----IO-QG-LKTI-----I-K-G--ALDSQAPL--NGRTAGEVD 1039  
  
SYKES . CON -LY-E-QL- .QN-TSP-FS-----Q-KNE- -K--R-L-----V--QT-EGDIFA-----I-T-HG--E--DSGSHV-NDEPKT- 1036  
SYK -LY-E-QL- .QN-TSP-FS-----Q-KNE- -K--R-L-----V--QT-EGDIFA-----I-T-HG--E--DSGSHV-NDEPKT- 1036